

CONFERENCIA SLACE

UMA VISÃO GENÔMICA DA FILOGENIA E HIBRIDAÇÃO DE ESPÉCIES EM MAMÍFEROS

Bonato S.L.¹. ¹Escola de Ciências, Pontifícia Universidade Católica do Rio Grande do Sul, Brasil.

slbonatto@puers.br

A obtenção de dados em escala genômica tem se acelerado drasticamente, o que tem iniciado uma revolução no conhecimento detalhado da evolução das espécies. Porém, desde Darwin, a evolução das espécies tem sido vista basicamente como continuamente divergente. Processos não divergentes, tais como hibridação e introgressão gênica entre espécies são geralmente considerados mais raros, em especial em vertebrados e mais ainda em mamíferos. Assim, a maior parte dos métodos de inferência de filogenias desconsidera estes fenômenos, cuja consequência, se eles tiverem ocorrido, é o aumento da incompatibilidade entre as árvores filogenéticas e da incerteza nas hipóteses de relacionamento. A apresentarei resultados recentes do meu grupo de pesquisa sobre a evolução de mamíferos usando dados de genomas completos, em especial relacionados à inferência das relações filogenéticas e à questão da hibridação e da sua importância na origem das espécies. Mostrarei que a história filogenética em mamíferos é mais complexa do que se imaginava, em parte devido à prevalência da hibridação, e que este cenário exige o uso de novas metodologias de inferência e de apresentação das relações evolutivas, tais como as redes filogenéticas.
